

หัวข้อการอบรม/สัมมนา

วันที่ 1:

- 08.45 - 09.00 น. ลงทะเบียน
- 09.00 - 10.00 น. แนะนำความรู้เบื้องต้นเกี่ยวกับเทคนิค NGS
- 10.00 - 10.30 น. Whole transcriptomic studies using RNASeq
- 10.30 - 10.40 น. พักรับประทานอาหารว่าง
- 10.40 - 11.15 น. RNASeq experimental design
- 11.15 - 12.00 น. RNASeq library construction and sequencing
- 12.05 - 13.00 น. รับประทานอาหารกลางวัน
- 13.00 - 14.30 น. การควบคุมคุณภาพข้อมูล RNASeq ด้วยโปรแกรม FASTX, FastQC, Trimmomatic
- 14.30 - 14.35 น. พักรับประทานอาหารว่าง
- 14.35 - 16.05 น. การควบคุมคุณภาพข้อมูล RNASeq ด้วยโปรแกรม FASTX, FastQC, Trimmomatic (ต่อ)

วันที่ 2:

- 08.45 - 09.00 น. ลงทะเบียน
- 09.00 - 10.30 น. การวิเคราะห์ผลการแสดงออกของยีนจาก RNASeq ด้วยโปรแกรม HISAT
- 10.30 - 10.40 น. พักรับประทานอาหารว่าง
- 10.40 - 12.00 น. การวิเคราะห์ผลการแสดงออกของยีนจาก RNASeq ด้วยโปรแกรม HISAT (ต่อ) and Stringtie
- 12.00 - 13.00 น. รับประทานอาหารกลางวัน
- 13.00 - 14.30 น. การวิเคราะห์ผลการแสดงออกของยีนจาก RNASeq ด้วยโปรแกรม Stringtie (ต่อ) and Ballgown
- 14.30 - 14.35 น. พักรับประทานอาหารว่าง
- 14.35 - 16.05 น. การวิเคราะห์ผลการแสดงออกของยีนจาก RNASeq ด้วยโปรแกรม Ballgown (ต่อ)

วันที่ 3:

- 08.45 - 09.00 น. ลงทะเบียน
- 09.00 - 10.30 น. การทำ RNASeq data visualization
- 10.30 - 10.35 น. พักรับประทานอาหารว่าง
- 10.35 - 12.05 น. การทำ RNASeq data visualization (ต่อ)
- 12.05 - 13.00 น. รับประทานอาหารกลางวัน
- 13.00 - 14.30 น. การทำ Gene Ontology (GO) enrichment analysis using web base tools
- 14.30 - 14.35 น. พักรับประทานอาหารว่าง
- 14.35 - 16.05 น. การทำ Gene Ontology (GO) enrichment analysis using web base tools(ต่อ)

หมายเหตุ: อาจมีการปรับเปลี่ยนหัวข้อและระยะเวลาในแต่ละหัวข้อของการอบรมได้ตามความเหมาะสม